От фундаментальной генетики к медицине будущего: в Санкт-Петербурге прошли первые «Лобашёвские чтения»

25.06.2026



18–19 июня 2026 года в Санкт-Петербурге состоялась I Всероссийская научная конференция «Лобашёвские чтения». Первый день прошёл на площадке Санкт-Петербургского отделения Российской академии наук, второй — в Научном городке Института физиологии им. И.П. Павлова РАН в Колтушах, где в 1920–1930-е годы работал Иван Петрович Павлов, а позднее проводил свои исследования в области физиологической генетики **Михаил Ефимович Лобашёв**. В течение двух дней ведущие генетики и молекулярные биологи, а также молодые исследователи из разных регионов страны обсудили фундаментальные биологические процессы, лежащие в основе работы ДНК.

Конференция носит имя выдающегося советского генетика профессора **Михаила Ефимовича Лобашёва** — автора физиологической теории мутационного процесса. Его идеи стали ключом к пониманию стресс-индуцированного мутагенеза и роли восстановительных систем в поддержании геномной стабильности. Под его руководством на кафедре генетики и селекции Ленинградского государственного университета (ныне — кафедра генетики и биотехнологии СПбГУ) активно развивались научные направления, посвящённые изучению матричных процессов. В апреле 2026 года Учёный совет Санкт-Петербургского государственного университета присвоил имя учёного этой кафедре, которую Михаил Ефимович возглавлял более десяти лет.

Организаторами конференции выступили Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербургское отделение РАН, Вавиловское общество генетиков и селекционеров, Научный совет РАН по генетике и селекции, Институт физиологии им. И.П. Павлова РАН и Объединённый научный совет по агробиотехнологиям и продовольственной безопасности СПбО РАН.

Приветствие участникам от председателя Санкт-Петербургского отделения РАН академика **Андрея Рудского** зачитал заместитель директора по научной работе Института физиологии им. И.П. Павлова РАН член-корреспондент РАН **Илья Безпрозванный**. Приветственные адреса передали председатель Комитета по науке и высшей школе **Андрей Максимов**, президент Вавиловского общества генетиков и селекционеров академик **Алексей Кочетов** и другие.

«Это событие — не просто научный форум, а подлинная дань уважения человеку, который в труднейшие для отечественной науки годы сумел сохранить и развить генетическую школу. В наши дни генетические подходы активно внедряются в практическую медицину, сельское хозяйство и промышленные технологии, а на стыке фундаментального знания и прикладных задач формируется биоэкономика — новая модель экономического роста, в которой биологические объекты и процессы становятся главным производственным ресурсом. Уверен, что дискуссии этих двух дней придадут новый импульс развитию как фундаментальных, так и прикладных исследований, а также укрепят связи между Санкт-Петербургским отделением РАН, Санкт-Петербургским государственным университетом и другими научными центрами», — отметил академик **Рудской**.

На торжественном открытии с приветственными словами выступили заместитель председателя СПбО РАН академик **Виктор Долженко**, декан биологического факультета СПбГУ академик **Игорь Тихонович**, научный руководитель Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН академик **Николай Янковский**, главный научный сотрудник Всероссийского научно-исследовательского института сельскохозяйственной микробиологии (ВНИИСХМ), заведующий кафедрой генетики и биотехнологии СПбГУ профессор РАН **Антон Нижников**.





Пленарное заседание открыл один из учеников Михаила Лобашёва — главный научный сотрудник Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН член-корреспондент РАН **Илья**

Захаров-Гезехус. В обзорном докладе он рассмотрел научное наследие Михаила Лобашёва и его роль в становлении физиологической генетики в СССР. Михаил Ефимович воспитал плеяду выдающихся учеников — среди них академики **Сергей Инге-Вечтомов**, **Игорь Тихонович**, **Николай Янковский** и многие другие исследователи, продолжающие сегодня заложенные учёным традиции.



Академик **Николай Янковский** представил доклад о научно-технической программе Союзного государства «ДНК-идентификация»: он рассказал о создании единой системы генетической идентификации личности в рамках Союзного государства России и Беларуси — масштабном проекте, имеющем принципиальное значение для криминалистики, судебной медицины и ликвидации последствий чрезвычайных ситуаций.



Главный научный сотрудник Института химической биологии и фундаментальной медицины СО РАН академик **Ольга Лаврик** выступила с докладом о специфических функциях поли (ADP-рибоза)-полимераз клеточного ядра в регуляции репарации ДНК в хроматине. В центре её доклада — роль семейства ферментов PARP в ответе клетки на повреждения ДНК и регуляции целого ряда других важных клеточных процессов.



Заведующий лабораторией иммунных систем прокариот Института биологии гена РАН член-корреспондент РАН **Андрей Кульбачинский** посвятил своё выступление молекулярным

механизмам адаптивного иммунитета бактерий, основанным на узнавании нуклеиновых кислот.

Профессор кафедры генетики биологического факультета МГУ им. М.В. Ломоносова **Лидия Нефёдова** рассказала о роли мобильных элементов в функциональной реорганизации генома и адаптации: на примере мухи-дрозофилы она показала, как транспозоны влияют на эволюционную пластичность генома.

Заведующий кафедрой СПбГУ, главный научный сотрудник ВНИИСХМ профессор РАН **Антон Нижников** представил доклад «Прионы и амилоиды как конформационные белковые матрицы», открывающий новые перспективы в понимании механизмов наследственных и нейродегенеративных заболеваний.

Научная программа конференции охватила широкий круг тем молекулярной биологии — от регуляции мутационных процессов до экологической генетики. Особое внимание уделялось современным исследованиям в области регуляции репликации и транскрипции, трансляции, мутагенеза и репарации генетического материала. Участники подчёркивали, что нарушения в механизмах репарации ДНК являются первопричиной онкологических заболеваний, тяжёлых наследственных синдромов и процессов старения. Понимание этих процессов на молекулярном уровне открывает возможности для разработки точечной генотерапии, создания инновационных лекарственных препаратов, развития CRISPR-технологий и проектирования новых биотехнологических решений для сельского хозяйства.





Одновременно с пленарными заседаниями в Малом зале СПбО РАН прошёл круглый стол «История генетики», участники которого рассмотрели этапы возрождения генетики в СССР с 1960-х годов. Прозвучали доклады о роли Ф.Г. Добржанского в исследовании генетического разнообразия человека, о вкладе Н.И. Вавилова в аграрное освоение советских субтропиков, а также о концепции академика Н.П. Бочкова о мутационном процессе у человека.

«Лобашёвские чтения» состоялись как полноценная площадка для научного диалога поколений: преемственность школы профессора Лобашёва нашла отражение в выступлениях его учеников, а также в докладах исследователей, развивающих заложенные им подходы — от физиологической теории мутационного процесса до пангеномных методов в генетике бактерий. По итогам конференции были намечены направления дальнейших фундаментальных и прикладных исследований, определены перспективы расширения междисциплинарного сотрудничества в области генетики и молекулярной биологии.



